

SEQUENCE LISTING

<110>	Koizumi, Makoto		
<120>	Method of Detecting Genetic Polymorphism		
<130>	06189/HG		
<150> <151>			
<160>	10		
<170>	PatentIn version 3.1		
<210> <211> <212> <213>			
<220> <221> <222> <400> cactggg	1 gagc attgaggctc	20	
<210>	2		
<211> <211> <212> <213>	20 DNA Homo sapiens		
<220>	•		
<221>	allele		
	(20)(20)		
<223>	C is transitioned to T		
<400>	2		
cactgg	cactgggagc attgaggctt 20		
<210>	3		
<211>	28		
<212>	DNA Muse museulus		
<213>	Mus musculus		
<220>			
<221>			
	(28)(28)		
<223>	C is transitioned to T		
<400>			
atctgtctac atatatatac acacacat 28			

	<210> <211> <212> <213>			
	<400> atctgt	4 ctac atatatac acacac	28	
	<210> <211> <212> <213>	18 DNA		
	<400> gggtga	5 aggc tgtgaccg	18	
	<210> <211> <212> <213>	25 DNA		
	<400>		25	
	<210> <211> <212> <213>	25 DNA		
	<220> <223>	primerE		
		7 Eact gctacttcac atgtg	25	
	<210><211><211><212><213>	8 25 DNA Artificial		
	<220> <223>	primer F		
<400> 8 catgtctact gctacttcac atgta 25				
	<210> <211> <212> <213>	9 25 DNA Artificial		
	<220>			

<223>	primer G	
<400> catgtc	9 tact gctacttcac atggg	25
<211> <212>		
<220> <223>	primer H	
<400> catgtc	10 tact gctacttcac atgga	25

. . . .